

到東太平洋及日本海域之鬼頭刀魚體樣本(數量約 47 個)，以做為未來與台灣海域樣本之分析比對。

高的遺傳變異，分析族群遺傳結構之最大差異出現在台東新港與澎湖兩樣區之間，另與其他太平洋樣區如長崎亦有明顯差異。

析；另外並發展國際合作，擴大採樣區域，初步以日本海域為優先採樣區域，以作為後續研究之分析比對。

析的核苷酸序列中，族群歧異度分析:88 個位置發生變異，共有 84 種基因型。各採樣區域內的單倍基因型歧異度 Hd 介於 0.844(東港樣本)與 0.952(蘇澳樣區)之間，顯示各採樣區域均有相同的單倍基因型出現。各採樣區域的核苷酸歧異度 π ，介於 0.00343~0.00532 之間；其中最小值則出現在臺東新港 2014a 年樣區，最大值出現在澎湖樣區，顯示澎湖樣區相較於其他族群於核苷酸歧異度有較高的變異。另外，以 FST 固定指數 fixation index 分析族群遺傳

資源豐度指標，以整合資源評估模式進行鬼頭刀之完整資源評估。藉由此長期研究計畫之執行成果，以期提供未來進行台灣鬼頭刀漁業資源管理之科學參考依據。

尚未蒐集到 ETP 及生態資訊，但初級、次級物種資訊已從漁撈日誌獲得。

已於 2017 年 7 月 18 日辦理海龜辨識及保育研討會，會中介紹海龜忌避措施及促進意外捕獲海龜恢復的方法

辦理鬼蝠魞漁獲管制措施宣導。

2016 年 12 月 20 日召開之 105 年第二次工作小組會議決議通過，將於 2017 年 3 月底前，擇日舉辦鯊魚及海龜宣導會。

原決議於今年上半年舉辦之宣導會，礙於漁民時程無法配合，於今年 3 月的工作小組會議中決定延至年中(7~8 月)作業淡

/ / X

資源評估: 全面性資源評估

制訂管理策略

提升相關資訊之蒐集: 填報主要物種、次要物種、ETP 物種及生態相關資料

辦理海龜、海鳥及鯊魚宣導會

一(一)III.iii.

二(二)I.

二(一)I.

二(三)I.

1.2.4

2.2.2,2.3.2, 2.5.2

2.3.3, 2.5.3

1.2.4

2.2.2,2.3.2, 2.5.2

2.3.3, 2.5.3

1.2.4

2.2.2,2.3.2, 2.5.2

2.3.3, 2.5.3

60~80

<60

<60

60~80

1.2.4 資源評估

2.1.2 主要物種之管理策略

2.2.3 次要物種之資訊

2.3.2 EPT 物種之管理策略

原則二

